

CURRICULUM VITÆ

Nom : LECROQ
Prénom : Thierry
Né le : 6 janvier 1965 à Yvetot (France)
Nationalité : française
Situation familiale : marié, 2 enfants

Table des matières

1 Fonctions	2
2 Titres universitaires	2
3 Publications	3
3.1 Journaux avec comité de lecture	3
3.2 Journaux nationaux avec comité de lecture	4
3.3 Conférences internationales avec comité de sélection	4
3.4 Posters dans des conférences internationales avec comité de sélection	6
3.5 Conférence nationale avec comité de sélection	6
3.6 Posters dans des conférences nationales avec comité de sélection	6
3.7 Présentations invitées	6
3.8 Conférences sans comité de sélection	7
3.9 Livres	7
3.10 Édition d'ouvrage	7
3.11 Chapitres d'ouvrages	7
3.12 Sites sur la Toile	8
3.13 Rapports internes	8
3.14 Divers	9
4 Communications à des colloques – séminaires	9
5 Participations à des comités de programme	11
6 Organisations	13
6.1 Organisateur principal	13
6.2 Co-organisateur	13
7 Encadrements de mémoires de DÉA et Master 2 Recherche	13
8 Directions de thèses	15
9 Participations à des jurys de thèse	15
10 Participations à des jurys d'habilitation à diriger des recherches	16
11 Participations à des comités de thèse	16
12 Rapports	16
13 Comité éditorial	17

14 Contrats	17
15 Enseignement	17
16 Participation à des Commissions de Spécialistes	18
17 Participation à des Comités de Sélection	18
18 Administration	19
19 Divers	19

1 Fonctions

- Professeur au Département d’Informatique de l’U.F.R. des Sciences et Techniques de l’université de Rouen ;
- Membre du LITIS (Laboratoire d’Informatique, du Traitement de l’Information et des Systèmes) EA 4108 ;
- Coordinateur de l’équipe « Traitement de l’Information en Biologie Santé » du LITIS ;
- Membre du conseil de laboratoire du LITIS ;
- Responsable du Groupe de Travail COMATEGE (« Combinatoire des mots, algorithmique du texte et du génome ») du GDR IM (Informatique Mathématique) du CNRS ;
- Président de la Commission Consultative de Spécialistes d’Établissement plénière 27^e section de l’université de Rouen.

2 Titres universitaires

- Habilitation à Diriger des Recherches en Informatique de l’Université de Rouen : « Quelques aspects de l’algorithmique du texte », soutenue le 8 décembre 2000.
Jury :
Maxime CROCHEMORE
Serge DULUCQ Rapporteur
Jean-Pierre DUVAL
Michel HABIB Président, rapporteur
Jean Frédéric MYOUPPO
William F. SMYTH Rapporteur
- Doctorat d’Informatique de l’Université d’Orléans : « Recherches de mot », dirigée par le Professeur Maxime Crochemore et soutenue le 18 février 1992.
Jury :
Maxime CROCHEMORE Directeur
Gérard FERRAND
Maurice GROSS
François LEBERRE
Daniel LORHO Président, rapporteur
Dominique PERRIN Rapporteur
Wojciech RYTTER
- D.É.A. d’Informatique Fondamentale, 1988, Université Paris 7, mention Très Bien.
- Maîtrise d’Informatique, 1987, Université de Caen, mention Bien.
- Licence d’Informatique, 1986, Université de Caen, mention Assez Bien.
- D.U.T. d’Informatique, 1985, Institut Universitaire de Technologie du Havre.
- Baccalauréat série D, 1983, Académie de Rouen, mention Assez Bien.

3 Publications

3.1 Journaux avec comité de lecture

1. T. Lecroq, « A variation on the Boyer–Moore algorithm », *Theoretical Computer Science* **92**(1) (1992) 119–144.
2. M. Crochemore, A. Czumaj, L. Gąsieniec, S. Jarominek, T. Lecroq, W. Plandowski et W. Rytter, « Speeding-up two string matching algorithms », *Algorithmica* **12**(4/5) (1994) 247–267.
3. T. Lecroq, « Experimental results on string matching algorithms », *Software – Practice & Experience* **25**(7) (1995) 727–765.
4. M. Crochemore et T. Lecroq, « Pattern-matching and text-compression algorithms », *ACM Computing Surveys* **28**(1) (1996) 39–41.
5. M. Crochemore et T. Lecroq, « Tight bounds on the complexity of the Apostolico–Giancarlo algorithm », *Information Processing Letters* **63**(4) (1997) 195–203.
6. T. Lecroq, G. Luce et J. F. Myoupo, « A faster linear systolic algorithm for recovering a longest common subsequence », *Information Processing Letters* **61**(3) (1997) 129–136.
7. T. Lecroq, « Experiments on string matching in memory structures », *Software – Practice & Experience* **28**(5) (1998) 562–568.
8. T. Lecroq, J. F. Myoupo et D. Semé, « A one-phase parallel algorithm for the sequence alignment problem », *Parallel Processing Letters* **8**(4) (1998) 515–526.
9. M. Crochemore, A. Czumaj, L. Gąsieniec, T. Lecroq, W. Plandowski et W. Rytter, « Fast practical multi-pattern matching », *Information Processing Letters* **71**(3–4) (1999) 107–113.
10. A. Lefebvre et T. Lecroq, « Compror : on-line lossless data compression with a factor oracle », *Information Processing Letters*, **83**(1) (2002) 1–6.
11. A. Lefebvre et T. Lecroq, « A heuristic for computing long repeats with a factor oracle : Applications to biological sequences », *International Journal of Computer Mathematics* **79**(12) (2002) 1303–1315.
12. R. Cole, C.S. Iliopoulos, T. Lecroq, W. Plandowski et W. Rytter, « On Special Families of Morphisms Related to δ -Matching and Don't Care Symbols », *Information Processing Letters* **85**(5) (2003) 227–233.
13. M. Crochemore, C. Hancart et T. Lecroq, « A unifying look at the Apostolico–Giancarlo string matching algorithm », *Journal of Discrete Algorithms* **1**(1) (2003) 37–52.
14. A. Lefebvre, T. Lecroq, H. Dauchel et J. Alexandre, « FORRepeats : detects repeats on entire chromosomes and performs intragenomic comparisons », *Bioinformatics* **19**(3) (2003) 319–326.
15. M. Crochemore, C.S. Iliopoulos, T. Lecroq, Y.J. Pinzon, W. Plandowski et W. Rytter, « Occurrence and Substring Heuristics for δ -Matching », *Fundamenta Informaticae* **56**(1–2) (2003) 1–21.
16. A. Lefebvre, T. Lecroq et J. Alexandre, « An improved algorithm for finding longest repeats with a modified factor oracle », *Journal of Automata, Languages and Combinatorics* **8**(4) (2003) 647–658.
17. J.-P. Duval, R. Kolpakov, G. Kucherov, T. Lecroq et A. Lefebvre, « Linear-Time Computation of Local Periods », *Theoretical Computer Science* **326**(1–3) (2004) 229–240.
18. J.-P. Duval, T. Lecroq et A. Lefebvre, « Border Array on Bounded Alphabet », *Journal of Automata, Languages and Combinatorics* **10**(1) (2005) 51–60.
19. É. Prieur et T. Lecroq, « From suffix trees to suffix vectors », *International Journal on Foundations of Computer Science* **17**(6) (2006) 1385–1402.
20. T. Lecroq, « Fast string matching algorithms », *Information Processing Letters* **102**(6) (2007) 229–235.
21. É. Prieur et T. Lecroq, « Direct construction of suffix vectors and maximal repeats », *Theoretical Computer Science* **407**(1–3) (2008) 290–301.
22. J.-P. Duval, T. Lecroq et A. Lefebvre, « Efficient validation and construction of border arrays and validation of string matching automata », *RAIRO-Theoretical Informatics and Applications* **43**(2) (2009) 281–297.

23. M. Salson, T. Lecroq, M. Léonard et L. Mouchard, « A four-stage algorithm for updating a Burrows-Wheeler Transform », *Theoretical Computer Science* **410**(43) (2009) 4350–4359.
24. S. Faro et T. Lecroq, « Efficient variants of the Backward-Oracle-Matching algorithm », *International Journal on Foundations of Computer Science* **40**(6) (2009) 967–984.
25. M. Salson, T. Lecroq, M. Léonard et L. Mouchard, « Dynamic extended suffix array », *Journal of Discrete Algorithms*, **8**(2) (2010) 241–257.

3.2 Journaux nationaux avec comité de lecture

1. A. Pauchet, M. El Abed, T. Merabti, É. Prieur, T. Lecroq et S.J. Darmoni, « Identification de répétitions dans les navigations au sein d’un catalogue de santé », *Revue d’Intelligence Artificielle* **23**(1) (2009) 113–132.
2. T. Merabti, M. Joubert, T. Lecroq, A. Rath et S.J. Darmoni, « Mapping biomedical terminologies using natural language processing tools and UMLS : mapping the Orphanet thesaurus to the MeSH », *Ingénierie et Recherche Biomédicale/BioMedical Engineering and Research*, accepté.

3.3 Conférences internationales avec comité de sélection

1. M. Crochemore, A. Czumaj, L. Gąsieniec, S. Jarominek, T. Lecroq, W. Plandowski et W. Rytter, « Speeding-up two string matching algorithms », in (*Proceedings of the 9th Annual Symposium on Theoretical Aspects of Computer Science*, Cachan, France, 1992), édités par A. FINKEL ET M. JANTZEN, Lecture Notes in Computer Science 577, Springer-Verlag, Berlin, 589–600.
2. M. Crochemore et T. Lecroq, « Tight bounds on the complexity of the Apostolico-Giancarlo algorithm », in (*Proceedings of the 3rd South American Workshop on String Processing*, Recife, Brésil, 1996), édités par N. ZIVIANI, R. BAEZA-YATES ET K. GUIMARÃES, Carleton University Press, Ottawa, Canada, 64–74.
3. C. Charras et T. Lecroq, « Exact string matching animation in Java », in (*Proceedings of the 3rd Prague Stringology Club Workshop*, Prague, République Tchèque, 1998), édités par J. HOLUB ET M. ŠIMÁNEK, 36–43.
4. C. Charras, T. Lecroq et J. D. Pehoushek, « A very fast string matching algorithm for small alphabets and long patterns », in (*Proceedings of the 9th Annual Symposium on Combinatorial Pattern Matching*, Piscataway, New Jersey, 1998), édités par M. FARACH-COLTON, Lecture Notes in Computer Science 1448, Springer-Verlag, Berlin, 55–64.
5. C. Charras et T. Lecroq, « Java tools to help understanding pattern matching techniques », in (*Proceedings of the 5th International Conference On Computer Aided Engineering Education*, Sofia, Bulgarie, 1999), édités par D.C. DIMITROV, 105–111.
6. C.S. Iliopoulos, T. Lecroq, L. Mouchard et Y.J. Pinzon, « Computing repetitions in musical sequences », in (*Proceedings of the 5th Prague Stringology Club Workshop*, Bratislava, Slovaquie, 2000), édités par M. BALÍK ET M. ŠIMÁNEK, 49–59.
7. A. Lefebvre et T. Lecroq, « Computing repeated factors with a factor oracle », in (*Proceedings of the 11th Australasian Workshop on Combinatorial Algorithms*, Hunter Valley, Australie, 2000), édités par L. BRANKOVIC ET J. RYAN, 145–158.
8. R. Cole, C.S. Iliopoulos, T. Lecroq, W. Plandowski et W. Rytter, « Relations between delta-matching and matching with don’t care symbols : delta-distinguishing morphisms », in (*Proceedings of the 12th Australasian Workshop on Combinatorial Algorithms*, Bandung, Indonésie, 2001), édités par E. TRI BASKORO, 80–87.
9. M. Crochemore, C.S. Iliopoulos, T. Lecroq et Y.J. Pinzon, « Approximate string matching in musical sequences », in (*Proceedings of Prague Stringology Conference*, Prague, République Tchèque, 2001), édités par M. BALÍK ET M. ŠIMÁNEK, 26–36.
10. A. Lefebvre et T. Lecroq, « Estimating topological entropy of biological sequences using a factor oracle », in (*Proceedings of the 5th World Multi-Conference on Systemics, Cybernetics and Informatics*, Orlando, Floride, 2001).
11. T. Lecroq, J.-F. Myoupo et D. Semé, « Exact Computations of the Longest Repeated Suffix Ending at Each Point in a Word », in (*Proceedings of the ISCA 17th International Conference on Computers*

- and Their Applications*, San Francisco, Californie, 2002), édités par R. GANTENBEIN ET S. SHIN, 18–21.
12. M. Crochemore, C. Iliopoulos, T. Lecroq, W. Plandowski et W. Rytter, « Three Heuristics for δ -Matching : δ -BM Algorithms », in (*Proceedings of the 13th Annual Symposium on Combinatorial Pattern Matching*, Fukuoka, Japon, 2002), édités par A. APOSTOLICO ET M. TAKEDA, Lecture Notes in Computer Science 2373, Springer-Verlag, Berlin, 178–189.
 13. A. Lefebvre, T. Lecroq et J. Alexandre, 253–265 « Drastic improvements over repeats found with a factor oracle », in (*Proceedings of the 13th Australasian Workshop on Combinatorial Algorithms*, Fraser Island, Queensland, Australie, 2002) édités par E. BILLINGTON, D. DONOVAN ET A. KHODKAR, 253–265.
 14. J.-P. Duval, T. Lecroq et A. Lefebvre, « Border Array on Bounded Alphabet », in (*Proceedings of Prague Stringology Conference*, Prague, République Tchèque, 2002), édités par M. BALÍK ET M. ŠIMÁNEK, 28–35.
 15. J.-P. Duval, R. Kolpakov, G. Kucherov, T. Lecroq et A. Lefebvre, « Linear-Time Computation of Local Periods », in (*Proceedings of 28th International Symposium on Mathematical Foundations of Computer Science*, Bratislava, Slovaquie, 2003), édités par B. ROVAN ET P. VOJTAS, Lecture Notes in Computer Science 2747, Springer-Verlag, Berlin, 388–397.
 16. É. Prieur et T. Lecroq, « From suffix trees to suffix vectors », in (*Proceedings of Prague Stringology Conference*, Prague, République Tchèque, 2005), édités par J. HOLUB ET M. ŠIMÁNEK, 37–53.
 17. J.-P. Duval, T. Lecroq et A. Lefebvre, « Efficient validation and construction of border arrays », in (*Actes des Journées Montoises*, Rennes, France, 2006), 179–189.
 18. É. Prieur et T. Lecroq, « Direct construction of suffix vectors and maximal repeats », in (*Actes des Journées Montoises*, Rennes, France, 2006), 311–322.
 19. T. Merabti, S. Pereira, C. Letord, T. Lecroq, M. Joubert et S.J. Darmoni, « Searching Related Resources in a Quality Controlled Health Gateway : a Feasibility Study », *eHealth Beyond the Horizon – Get IT There, Proceedings of MIE2008 - The XXIst International Congress of the European Federation for Medical Informatics*, Göteborg, Sweden, May, Studies in Health Technology and Informatics, Volume 136, 235–240, 2008.
 20. M. Salson, T. Lecroq, M. Léonard et L. Mouchard, « Dynamic Burrows-Wheeler transform », in (*Proceedings of Prague Stringology Conference*, Prague, République Tchèque, 2008), édités par J. HOLUB ET J. ZDÁREK, 13–25.
 21. S. Faro et T. Lecroq, « Efficient variants of the Backward-Oracle-Matching algorithm », in (*Proceedings of Prague Stringology Conference*, Prague, République Tchèque, 2008), édités par J. HOLUB ET J. ZDÁREK, 146–160.
 22. S. Faro et T. Lecroq, « An efficient matching algorithm for encoded DNA sequences and binary strings », in (*Proceedings of the 20th Annual Symposium on Combinatorial Pattern Matching*, Lille, France, 2009), édités par G. KUCHEROV ET E. UKKONEN, Lecture Notes in Computer Science 5577, Springer-Verlag, Berlin, 106–115.
 23. T. Merabti, C. Letord, H. Abdoune, T. Lecroq, M. Joubert et S. J. Darmoni, « Projection and inheritance of SNOMED CT Relations between MeSH Terms », in *Proceedings of MIE2009 - The XXIInd International Congress of the European Federation for Medical Informatics*, Sarajevo, Bosnia-Herzegovina, Studies in Health Technology and Informatics, Volume 150, Pages 233–237, 2009.
 24. T. El Falah, T. Lecroq et M. Elloumi, « SMS-Forbid : an efficient algorithm for Simple Motif Problem », in (*Proceedings of the ISCA 2nd International Conference on Bioinformatics and Computational Biology*, Honolulu, Hawaii, 2010), édités par H. AL-MUBAID, The International Society for Computers and their Applications, 121–126.
 25. T. Merabti, P. Massari, M. Joubert, E. Sadou, T. Lecroq, H. Abdoune, J.-M. Rodrigues et S.J. Darmoni, « An automated approach to map a French terminology to UMLS », in MEDINFO'10, 2010, Cape Town, South Africa.
 26. L. Deléger, T. Merabti, T. Lecroq, M. Joubert, P. Zweigenbaum, S.J. Darmoni, « A Twofold Strategy for Translating a Medical Terminology into French » in AMIA'10, 2010, USA.
 27. T. El Falah, T. Lecroq et M. Elloumi, « An Efficient Motif Search Algorithm based on a Minimal Forbidden Patterns Approach », in : *5th International Conference on Practical Applications of Computational Biology and Bioinformatics (PACBB 2011)*, Salamanque, Espagne, accepté.

3.4 Posters dans des conférences internationales avec comité de sélection

1. T. Lecroq et J. F. Myoupo, « Détermination d'un plus long sous-mot commun à deux mots sur un réseau linéaire », in (*Actes des 6^e Rencontres Francophones du Parallélisme*, Lyon, France, 1994), édités par L. BOUGÉ, M. COSNARD ET P. FRAIGNIAUD, 301.
2. A. Lefebvre et T. Lecroq, « Compror : compression with a factor oracle », in (*Proceedings of the Data Compression Conference*, Snowbird, Utah, 2001), édités par J. A. STORER ET M. COHN, 502, IEEE Computer Society.
3. T. Merabti, S. Pereira, T. Lecroq, M. Joubert et S.J. Darmoni, « Inheritance of SNOMED CT Relations between Concepts to two Health Terminologies (SNOMED International and ICD-10) », in (*Representing and sharing knowledge using SNOMED*, Proceedings of the 3rd international conference on Knowledge Representation in Medicine (KR-MED 2008) Phoenix, AZ, 2008) édités par R. CORNET ET K.A. SPACKMAN, 118.
4. S. Faro et T. Lecroq, Efficient Pattern Matching on Binary Strings, *SOFSEM : 35th International Conference on Current Trends in Theory and Practice of Computer Science*, République Tchèque, 2009.

3.5 Conférence nationale avec comité de sélection

1. A. Lefebvre, T. Lecroq et J. Alexandre, « Utilisations de l'oracle des facteurs », in (*Actes des 2^e Journées Ouvertes Biologie Informatique Mathématiques*, Toulouse, France, 2001), édités par L. DURET, C. GASPIN ET T. SCHIEX, 153–157.
2. J.-P. Duval, T. Lecroq et A. Lefebvre, « Efficient validations and construction of Knuth–Morris–Pratt arrays », in (*Conference in honor of Donald E. Knuth*, Bordeaux, France, 2007), http://knuth07.labri.fr/talks/lefebvre_kmparrays_knuth07.pdf.
3. É. Chanoni, T. Lecroq et A. Pauchet, « Une nouvelle heuristique pour l'alignement en deux dimensions », in (*Actes des Journées Francophones en Planification, Décision et Apprentissage pour la conduite de systèmes*, Metz, France, 2008), 83–91.
4. T. Merabti, H. Abdoune, T. Lecroq, M. Joubert et S.J. Darmoni, « Projection des relations SNOMED CT entre les termes de deux terminologies (CIM10 et SNOMED 3.5) », in (*Risques, technologies de l'information pour les pratiques médicales : comptes rendus des treizièmes journées francophones d'informatique médicale (JFIM)*, Nice, France, 2009), Informatique et santé, Volume 17, 79–88.
5. É. Chanoni, T. Lecroq et A. Pauchet, « Extraction de motifs dans des dialogues annotés par programmation dynamique », in (*Actes des Cinquièmes Journées Francophones Modèles Formels de l'Interaction*, Lannion, France, 2009), éditées par N. MAUDET, P.-Y. SCHOBENS ET M. GUYOMARD, 101–112.

3.6 Posters dans des conférences nationales avec comité de sélection

1. É. Prieur et T. Lecroq, Des arbres de suffixes aux vecteurs de suffixes, *Journées Ouvertes Biologie Informatique Mathématiques*, Lyon, France, 2005.

3.7 Présentations invitées

1. T. Lecroq, « Theoretical and practical aspects of string matching », résumé in (*Abstracts of Invited Lectures and Short Communications Delivered at the 7th International Colloquium on Numerical Analysis and Computer Science with Applications*, Plovdiv, Bulgarie, août 1998), p. 75.
2. T. Lecroq, « The Boyer-Moore string matching algorithm and its variants : a survey », au « Prague Stringology Club Workshop », Prague, République Tchèque, juillet 1999.
3. T. Lecroq, « Theoretical and practical string matching », résumé in (*Proceedings of the 10th Australasian Workshop on Combinatorial Algorithms*, Perth, Australie, août 1999), édités par R. RAMAN ET J. SIMPSON, p. 2.
4. T. Lecroq, « Alignments in 2D and efficient pattern matching on encoded binary strings slides », Optimization and Learning : Theory, Algorithms and Applications 2010, Metz, France, juin 2010.
5. T. Lecroq, « Indexing Structures and Next Generation Sequencing (NGS) », Journées Montoises, Amiens, France, septembre 2010.

3.8 Conférences sans comité de sélection

1. M. Crochemore, A. Czumaj, L. Gąsieniec, S. Jarominek, T. Lecroq, W. Plandowski et W. Rytter, « Deux méthodes pour accélérer l'algorithme de Boyer-Moore », in (Théorie des Automates et Applications, *Actes des 2^e Journées Franco-Belges*, Rouen, France, 1991), édités par D. KROB, PUR 176, Rouen, France, 45–63.

3.9 Livres

1. M. Crochemore, C. Hancart et T. Lecroq, « *Algorithmique du texte* », Vuibert, 2001, ouvrage sélectionné pour le Prix Roberval 2002 dans la catégorie « Enseignement Supérieur » et pour le Prix AFISI (Association Française d'Ingénierie des Systèmes d'Information) 2002.
2. C. Charras et T. Lecroq, « *Handbook of Exact String Matching Algorithms* », King's College London Publications, 2004.
3. M. Crochemore, C. Hancart et T. Lecroq, « *Algorithms on Strings* », Cambridge University Press, 2007.

3.10 Édition d'ouvrage

1. C.S. Iliopoulos et T. Lecroq éditeurs, « *String algorithmics* », King's College London Publications, 2004.

3.11 Chapitres d'ouvrages

1. M. Crochemore et T. Lecroq, « Pattern-matching and text-compression algorithms », in *The Computer Science and Engineering Handbook*, édité par A. B. TUCKER, JR., chapitre 8, 162–202, CRC Press, Boca Raton, Floride, 1997.
2. M. Crochemore et T. Lecroq, « Text data compression algorithms », in *Algorithms and Theory of Computation Handbook*, édité par M. J. ATALLAH, chapitre 12, 12.1–12.23, CRC Press, Boca Raton, Floride, 1998.
3. M. Crochemore et T. Lecroq, « Pattern-matching and text-compression algorithms », in *The Computer Science and Engineering Handbook 2nd edition*, édité par A. B. TUCKER, JR., chapitre 13, 13-1–13-48, CRC Press, Boca Raton, Floride, 2004.
4. T. Lecroq et A. Lefebvre, « Different applications of the factor oracle : an overview », in *String algorithmics*, édité par C.S. ILIOPOULOS et T. LECROQ, 129–154, King's College London Publications, 2004.
5. M. Crochemore et T. Lecroq, « Text searching and indexing », in *Formal Languages and Applications*, Series : Studies in Computational Intelligence, Volume 25, édité par Z. ÉSIK, C. MARTÍN-VIDE et V. MITRANA, 43–80, Springer-Verlag, 2006.
6. J.-P. Duval, T. Lecroq et A. Lefebvre, « Efficient validation and construction of border arrays », in *London Algorithmics and Stringology 2006*, édité par J. DAYKIN, M. MOHAMED et K. STEINHOEFEL, King's College London Publications, Texts in Algorithms, Vol. 8, 2007.
7. M. Crochemore et T. Lecroq, « Alignments and Approximate String Matching », in *New Developments in Formal Languages and Applications*, édité par G. BEL-ENGUUX, M. D. JIMÉNEZ-LÓPEZ et C. MARTÍN-VIDE, 59–93, Springer-Verlag, 2008.
8. M. Crochemore et T. Lecroq, « Sequential Exact String Matching », in *Encyclopedia of Algorithms* édité par M. Y. KAO, 824–826, Springer-Verlag, 2008.
9. M. Crochemore et T. Lecroq, « Sequential Multiple String Matching », in *Encyclopedia of Algorithms* édité par M. Y. KAO, 826–829, Springer-Verlag, 2008.
10. M. Crochemore et T. Lecroq, « Suffix tree », in *Encyclopedia of Database Systems* édité par T. OZSU et L. LIU, 2876–2880 Springer-Verlag, 2009.
11. M. Crochemore et T. Lecroq, « Trie », in *Encyclopedia of Database Systems* édité par T. OZSU et L. LIU, 3179–3182 Springer-Verlag, 2009.

12. M. Crochemore et T. Lecroq, « Text data compression algorithms », in *Algorithms and Theory of Computation Handbook 2nd Edition : General Concepts and Techniques*, édité par M. J. ATALLAH et M. BLANTON, Chapitre 14, 14.1–14.25, CRC Press, Boca Raton, Floride, 2009.
13. T. El Falah, M. Elloumi et T. Lecroq, « Motif Finding Algorithms in Biological Sequences : A Review », in *Algorithms in Computational Molecular Biology : Techniques, Approaches and Applications*, édité par M. ELLOUMI et A. Y. ZOMAYA, Wiley 2011.

3.12 Sites sur la Toile

1. C. Charras et T. Lecroq, « Exact string matching algorithms », animation à l'aide d'appliquettes Java de 30 algorithmes de recherche exacte d'un mot dans un texte : <http://www-igm.univ-mlv.fr/~lecroq/string/>
2. C. Charras et T. Lecroq, « Sequence comparison », animation à l'aide d'appliquettes Java d'algorithmes classiques d'alignements de séquences par programmation dynamique : <http://www-igm.univ-mlv.fr/~lecroq/seqcomp/>
3. T. Lecroq, « String Matching Automaton », <http://www-igm.univ-mlv.fr/~lecroq/sma/>

3.13 Rapports internes

1. T. Lecroq, « Recherches de mot », Thèse de Doctorat de l'Université d'Orléans, Rapport LITP 92.15, Universités Paris 6 et 7, 1992.
2. M. Crochemore, A. Czumaj, L. Gąsieniec, S. Jarominek, T. Lecroq, W. Plandowski et W. Rytter, « Speeding-up two string matching algorithms », Rapport LITP 92.21, Universités Paris 6 et 7, 1992.
3. M. Crochemore, A. Czumaj, L. Gąsieniec, S. Jarominek, T. Lecroq, W. Plandowski et W. Rytter, « Fast practical multi-pattern matching », Rapport IGM 93-3, Université de Marne-la-Vallée, 1993.
4. T. Lecroq, « Experimental results on string-matching algorithms », Rapport LITP 94.12, Universités Paris 6 et 7, 1994.
5. T. Lecroq et J. F. Myoupo, « Détermination d'un plus long sous-mot commun à deux mots sur un réseau linéaire », Rapport LIR 95.08 Informatique Fondamentale, Université de Rouen, 1995.
6. M. Crochemore et T. Lecroq, « Pattern matching and text compression algorithms », Rapport LIR 95.11 Informatique Fondamentale, Université de Rouen, 1995, Rapport IGM 95-21, Université de Marne-la-Vallée, 1995.
7. M. Crochemore et T. Lecroq, « Tight bounds on the complexity of the Apostolico-Giancarlo algorithm », Rapport LIR 96.12 Informatique Fondamentale, Université de Rouen, 1995.
8. M. Crochemore et T. Lecroq, « Text data compression algorithms », Rapport LIR 96.15 Informatique Fondamentale, Université de Rouen, 1995.
9. T. Lecroq, G. Luce et J. F. Myoupo, « A faster linear systolic algorithm for recovering a longest common subsequence », Rapport LaRIA 96-07, Université de Picardie Jules Verne, 1996.
10. T. Lecroq, « Experimental results on string matching over infinite alphabets », Rapport LIR 97.01, Université de Rouen, 1997.
11. T. Lecroq, J. F. Myoupo et D. Semé, « A one-phase parallel algorithm for the sequence alignment problem », Rapport LaRIA 97-16, Université de Picardie Jules Verne, 1997.
12. C. Charras et T. Lecroq, « Exact string matching animation in Java », Rapport LIR 97.10, Université de Rouen, 1997.
13. S. Faro et T. Lecroq, « Efficient Pattern Matching on Binary Strings », Rapport arXiv :0810.2390, 2008.
14. S. Faro et T. Lecroq, « The Exact String Matching Problem : a Comprehensive Experimental Evaluation », Rapport arXiv :1012.2547, 2010.
15. G. Fici, T. Lecroq, A. Lefebvre et É. Prieur-Gaston, « Computing Abelian periods in words », Rapport ISRN I3S/RR-2011-01-FR, Université de Nice Sophia-Antipolis, 2011.

3.14 Divers

1. T. Lecroq, « Une introduction à la recherche de mot », Actes de l'École Jeunes Chercheurs Algorithmique et Calcul Formel du GDR ALP, Caen, 2000.
2. T. Lecroq, « New experimental results on exact string-matching », Manuscrit, <http://www-igm.univ-mlv.fr/~lecroq/articles/neresm.pdf>, 2000.
3. T. Lecroq, « Quelques aspects de l'algorithmique du texte », Compte rendu d'Habilitation à Diriger des Recherches, *Technique et Science Informatiques*, **20** (3) (2001) 279–281.
4. É. Rivals, G. Kucherov et T. Lecroq éditeurs, « Actes de la réunion des Actions Spécifiques « Algorithmes et Séquences » et « Indexation de texte et découverte de motifs » Montpellier, 20 et 21 novembre 2003 ».
5. M. Crochemore et T. Lecroq, « Efficient implementation of Boyer-Moore string matching algorithm », Manuscrit, <http://www-igm.univ-mlv.fr/~lecroq/articles/cl2008.pdf>, 2008.
6. E. Y. Harris, T. Lecroq, G. Kucherov et S. Lonardi, « CPM's 20th anniversary : a statistical retrospective », in (*Proceedings of the 20th Annual Symposium on Combinatorial Pattern Matching*, Lille, France, 2009), édités par G. KUCHEROV ET E. UKKONEN, Lecture Notes in Computer Science 5577, Springer-Verlag, Berlin, 1–11.

4 Communications à des colloques – séminaires

1. Communication au congrès « Combinatorial Pattern Matching », Paris, France, juillet 1990 : « A variation on the Boyer-Moore algorithm ».
2. Communication au congrès « Combinatorial Pattern Matching », Londres, Royaume Uni, avril 1991 : « A variation on the Boyer-Moore algorithm ».
3. Séminaire d'Algorithmique de l'Université de Varsovie, Pologne, avril 1991 : « A variation on the Boyer-Moore algorithm ».
4. Communication aux Journées Franco-Belges, Rouen, France, septembre 1991 : « Variations sur l'algorithme de Boyer-Moore ».
5. Communication aux Journées Informatique et Génome, Paris, France, décembre 1991 : « Utilisation d'automates pour la recherche de mot ».
6. Séminaire du Laboratoire d'Informatique Fondamentale d'Orléans, France, janvier 1992 : « Une amélioration de deux algorithmes de string-matching ».
7. Séminaire du Laboratoire d'Informatique Théorique et de Programmation, Paris, France, avril 1992 : « Algorithmes Turbo pour la recherche de mot ».
8. Séminaire de l'Institut Gaspard Monge, Marne-la-Vallée, France, novembre 1992 : « Algorithmes Turbo pour la recherche de mot ».
9. Séminaire du Laboratoire d'Informatique de Rouen, France, avril 1993 : « Recherche rapide d'un ensemble fini de mots ».
10. Séminaire du Laboratoire d'Informatique de Columbia University, septembre 1993, New York, USA : « Fast Multi-Pattern Matching ».
11. Séminaire du Laboratoire d'Informatique de Rouen, France, février 1994 : « Recherche de motif en deux dimensions ».
12. Séminaire de l'Institut franco-russe A.M. Liapunov à l'Université de Moscou, Russie, avril 1998 : « Tight bounds on the complexity of the Apostolico-Giancarlo string matching algorithm ».
13. Communication au congrès « Combinatorial Pattern Matching », Piscataway, New Jersey, juillet 1998 : « A very fast string matching algorithm for small alphabets and long patterns ».
14. Communication au congrès « Numerical Analysis and Computer Science with Applications », Plovdiv, Bulgarie, août 1998 : « Theoretical and practical aspects of string matching ».
15. Communication au congrès « Prague Stringology Club Workshop », Prague, République Tchèque, septembre 1998 : « Exact string matching animation in Java ».
16. Exposé à l'École thématique C.N.R.S. « Traitement de l'information en biologie moléculaire », Asnelles-sur-Mer, France, novembre 1998 : « Recherche de motifs ».

17. Séminaire de l'Institut franco-russe A.M. Liapunov au LoRIA à Nancy, France, février 1999 : « Practical aspects of string matching ».
18. Exposé à la journée du LIFAR, Rouen, France, février 1999 : « Combinatoire et génome ».
19. Exposé au « London Theory Day », Londres, Royaume Uni, février 1999 : « Practical string matching ».
20. Séminaire d'algorithmique de Caen, France, mars 1999 : « Algorithmes de recherche de mot de type Boyer–Moore ».
21. Communication invitée au congrès « Prague Stringology Club Workshop », Prague, République Tchèque, juillet 1999 : « The Boyer-Moore String Matching Algorithm and its Variants : A Survey ».
22. Communication invitée au congrès « 10th Australasian Workshop on Combinatorial Algorithms », Perth, Australie, août 1999 : « Theoretical and practical string matching ».
23. Séminaire de la « School of Computing, Curtin University of Technology », Perth, Australie, septembre 1999 : « Fast practical multi pattern matching ».
24. Séminaire du Laboratoire d'Informatique du Havre, France, septembre 1999 : « Aspects théoriques et pratiques de la recherche de mot ».
25. Communication au congrès « 5th International Conference On Computer Aided Engineering Education », Sofia, Bulgarie, septembre 1999 : « Java tools to help understanding pattern matching techniques ».
26. Cours à l'École Jeunes Chercheurs Algorithmique et Calcul Formel du GDR ALP, Caen, France, mars 2000 : « Une introduction à la recherche de mot ».
27. Exposé au « London String Days 2000 on Music Analysis and Retrieval », Londres, Royaume Uni, avril 2000 : « Exact string matching techniques for delta and gamma approximate string matching ».
28. Communication au congrès « 11th Australasian Workshop on Combinatorial Algorithms », Hunter Valley, Australie, juillet–août 2000 : « Computing repeated factors with a factor oracle ».
29. Séminaire d'Algorithmique de l'Université de Varsovie, Pologne, novembre 2000 : « New experimental results in string matching ».
30. Communication invitée au Colloque « Traitement et Analyse des Séquences », Évry, France, novembre 2000 : « Les méthodes d'alignements dans l'analyse des séquences ».
31. Exposé au « London Algorithms Workshop 2000 » supporté par l'OTAN, Londres, Royaume Uni, décembre 2000 : « New experimental results in string matching ».
32. Séminaire du Département d'Informatique du King's College London, Royaume Uni, février 2001 : « Different applications of the factor oracle of a word ».
33. Séminaire du LIM à Marseille, France, avril 2001 : « Différentes applications de l'oracle des facteurs d'un mot ».
34. Séminaire d'algorithmique de Caen, France, avril 2001 : « Différentes applications de l'oracle des facteurs d'un mot ».
35. Communication au congrès « Prague Stringology Conference », Prague, République Tchèque, septembre 2001 : « Approximate string matching in musical sequences ».
36. Séminaire général du Laboratoire d'Informatique de l'Institut Gaspard Monge à l'Université de Marne-la-Vallée, France, décembre 2001 : « Recherche δ - et γ -approchée dans les séquences musicales ».
37. Communication invitée à ALBIO (Algorithmes pour la bioinformatique), Action spécifique du département STIC du CNRS, Montpellier, France, mars 2002 : « Algorithmes de recherche de répétitions distantes dans les génomes ».
38. Séminaire d'informatique fondamentale du LaBRI à Bordeaux, France, mars 2002 : « Différentes applications de l'oracle des facteurs ».
39. Communication au colloque du Programme Bioinformatique inter EPST à Paris, France, octobre 2002 : « Recherche de répétitions exactes et approximatives dans les séquences biologiques complètes ou non ».
40. Exposé au « London String Day 2003 » supporté par l'OTAN, Londres, France, février 2003 : « Linear-Time Computation of Local Periods ».

41. Exposé à la réunion de l'AS « Indexation et Motifs » à Montpellier, France, novembre 2003 : « Calcul linéaire de toutes les périodes d'un mot ».
42. Séminaire du PSI à Rouen, France, janvier 2004 : « Recherche de répétitions dans les séquences nucléiques ».
43. Séminaire du LARIA à Amiens, France, février 2004 : « Calcul linéaire de toutes les périodes d'un mot ».
44. Comité d'évaluation du CNRS du regroupement « STIC-HN », Rouen, France, décembre 2004, présentation du thème « Vivant ».
45. Exposé aux journées « Algorithmique génomique » du programme MathStic, Orsay, France, novembre 2005 : « Validation de tableaux de bords ».
46. Séminaire du LMI, INSA de Rouen, France, février 2006 : « Différentes applications de l'oracle des facteurs ».
47. Exposé au « London String Days », Royaume Uni, février 2006 : « Efficient validation and construction of border arrays ».
48. Exposé aux Journées Montoises à Rennes, France, août 2006 : « Efficient validation and construction of border arrays »,
49. Exposé au « London Algorithms Workshop », Royaume Uni, février 2007 : « Fast string matching algorithms ».
50. Séminaire de l'équipe « Combinatoire & Algorithmes » du LITIS, université de Rouen, Rouen, avril 2007 : « Algorithmes rapides pour la recherche de mot ».
51. Exposé aux journées « Algorithmique, combinatoire du texte et applications à la bioinformatique », université de Marne-la-Vallée, France, septembre 2007 : « Validation et génération de tableaux de Knuth–Morris–Pratt ».
52. Exposé au « London String Days & London Algorithms Workshop », Royaume Uni, février 2008 : « Global and local alignments in 2D ».
53. Exposé à la Fête de la Science, Saint-Étienne-du-Rouvray, France, novembre 2008 : « Algorithmique du texte et technologies de l'information ».
54. Communication au congrès « Combinatorial Pattern Matching », Lille, France, juin 2009 : « An efficient matching algorithm for encoded DNA sequences and binary strings ».
55. Exposé au congrès « Combinatorial Pattern Matching », Lille, France, juin 2009 : « 20 years of CPM ».
56. Communication invitée au workshop « Optimization and Learning : Theory, Algorithms and Applications », Metz, France, juin 2010 : « Alignments in 2D and efficient pattern matching on encoded binary strings slides ».
57. Communication invitée aux « Journées Montoises », Amiens, France, septembre 2010 : « Indexing Structures and Next Generation Sequencing (NGS) ».
58. Comité AERES d'évaluation du LITIS, Rouen, France, octobre 2011 : présentation de l'équipe « Traitement de l'Information en Biologie Santé (TIBS) ».
59. Exposé au « London String Days & London Algorithms Workshop », Royaume Uni, février 2011 : « Computing Abelian Periods in Words ».

5 Participations à des comités de programme

1. « 4th Prague Stringology Club Workshop (PSCW 1999) » les 8 et 9 juillet 1999 à Prague, République Tchèque.
2. « 10th Australasian Workshop On Combinatorial Algorithms (AWOCA 1999) » du 25 au 27 août 1999 à Perth, Australie.
3. « 11th Australasian Workshop On Combinatorial Algorithms (AWOCA 2000) » du 29 juillet au 1^{er} août 2000, Hunter Valley, Australie.
4. « 5th Prague Stringology Club Workshop (PSCW 2000) » les 2 et 3 septembre 2000 à Bratislava, Slovaquie.

5. « 12th Conference Combinatorial on Pattern Matching (CPM 2001) » du 1^{er} au 4 juillet 2001 à Jérusalem, Israël.
6. « 12th Australasian Workshop On Combinatorial Algorithms (AWOCA 2001) » du 14 au 17 juillet 2001 à Bandung, Indonésie.
7. « Prague Stringology Conference (PSC 2001) » le 4 septembre 2001 à Prague, République Tchèque.
8. « 13th Australasian Workshop On Combinatorial Algorithms (AWOCA 2002) » du 7 au 10 juillet 2002 à Fraser Island, Queensland, Australie.
9. « 27th International Symposium on Mathematical Foundations of Computer Science (MFCS 2002) » 26 au 30 août 2002 à Warszawa – Otwock, Pologne.
10. « Prague Stringology Conference (PSC 2002) » les 23 et 24 septembre 2002 à Prague, République Tchèque.
11. « 14th Conference on Combinatorial Pattern Matching (CPM 2003) » du 25 au 27 juin 2003 à Morelia, Mexique.
12. « 14th Australasian Workshop On Combinatorial Algorithms (AWOCA 2003) » en juillet 2003 à Séoul, Corée du Sud.
13. « 3rd Workshop on Algorithms in Bioinformatics (WABI 2003) » du 15 au 20 septembre 2003 à Budapest, Hongrie.
14. « Prague Stringology Conference (PSC 2003) » du 22 au 24 septembre 2003 à Prague, République Tchèque.
15. « 15th Australasian Workshop On Combinatorial Algorithms (AWOCA 2004) » du 7 au 9 juillet 2004 au Ballina Beach Resort, Nouvelles Galles du Sud en Australie.
16. « Prague Stringology Conference (PSC 2004) » du 29 août au 1^{er} septembre 2004 à Prague, République Tchèque.
17. « 4th Workshop on Algorithms in Bioinformatics (WABI 2004) » du 14 au 17 septembre 2004 à Bergen, Norvège.
18. « Prague Stringology Conference (PSC 2005) » du 29 au 31 août 2005 à Prague, République Tchèque.
19. « 16th Australasian Workshop On Combinatorial Algorithms (AWOCA 2005) » du 18 au 21 septembre 2005, University of Ballarat, Victoria, Australie.
20. « 4th Workshop on Algorithms in Bioinformatics (WABI 2005) » du 3 au 6 octobre 2005 à Eivissa, Espagne.
21. « 17th Conference on Combinatorial Pattern Matching (CPM 2006) » du 3 au 7 juillet 2006 à Barcelone, Espagne.
22. « 17th Australasian Workshop On Combinatorial Algorithms (AWOCA 2006) » du 13 au 16 juillet 2006 à Uluru, Australie Centrale.
23. « Prague Stringology Conference (PSC 2006) » du 28 au 30 août 2006 à Prague, République Tchèque.
24. « 1st International Conference on Language and Automata Theory and Applications (LATA 2007) » du 29 mars au 4 avril 2007 à Tarragone, Espagne.
25. « Journées Ouvertes Biologie Informatique Mathématiques (JOBIM 2007) » en juillet 2007 à Marseille, France.
26. « String Processing and Information Retrieval (SPIRE 2007) » du 29 au 31 octobre 2007 à Santiago, Chili.
27. « 18th International Workshop On Combinatorial Algorithms (IWOCA 2007) » novembre 2007 à Newcastle, Australie.
28. « Non Convex Programming (NCP 2007) » du 17 au 21 décembre 2007 à Rouen, France.
29. « 2nd International Conference on Language and Automata Theory and Applications (LATA 2008) » du 13 au 19 mars 2008 à Tarragone, Espagne.
30. « Journées Ouvertes Biologie Informatique Mathématiques (JOBIM 2008) » du 31 juin au 2 juillet 2008 à Lille, France.

31. « Journées Montoises (JM 2008) » du 27 au 30 août 2008 à Mons, Belgique.
32. « Prague Stringology Conference (PSC 2008) » du 1^{er} au 3 septembre 2008 à Prague, République Tchèque.
33. « 19th International Workshop On Combinatorial Algorithms (IWOCA 2008) » du 13 au 15 septembre 2008 à Nagoya, Japon.
34. « 20th International Workshop On Combinatorial Algorithms (IWOCA 2009) » du 28 juin au 2 juillet 2009 à Hradec nad Moravici, République Tchèque.
35. « Prague Stringology Conference (PSC 2009) » du 31 août au 2 septembre 2009 à Prague, République Tchèque.
36. Algorithms and Bioinformatics Track of the « 8th ACS/IEEE International Conference on Computer Systems and Applications (AICCSA 2010) » du 16 au 19 mai 2010 à Hammamet, Tunisie.
37. « 21st Conference on Combinatorial Pattern Matching (CPM 2010) » du 21 au 23 juin 2010 à New York, USA.
38. « Journées Ouvertes Biologie Informatique Mathématiques (JOBIM 2010) » en septembre 2010 à Montpellier, France.
39. « Journées Montoises (JM 2010) » en septembre 2010 à Amiens, France.
40. « String Processing and Information Retrieval (SPIRE 2010) » en 2010 au Mexique.

6 Organisations

6.1 Organisateur principal

- RoSA '02 (Rouen Sequence Algorithmics) les 6 et 7 juillet 2002 : rencontre conjointe au réseau « String Algorithmics » de l'OTAN (« Collaborative Linkage Grant » PST.CLG.977017) et au groupe de travail « Algorithmique des séquences » du GDR ALP (Algorithmique, Langage et Programmation) du département STIC du CNRS.
- JORCAD '08 (JOURnées Rouennaises de Combinatoire et Algorithmique en l'honneur de Jean-Pierre Duval, professeur émérite) : journées communes aux groupes de travail « Combinatoire, Algorithmique du Texte et applications au Génome » et « Systèmes Dynamiques, Automates et Algorithmes » du pôle Combinatoire et Algorithmique du GDR Informatique Mathématique à Rouen les 17, 18 et 19 septembre 2008 (69 participants).

6.2 Co-organisateur

1. Réunion de l'AS « Algorithmes et Séquences » du département STIC du CNRS, les 20 et 21 janvier 2003 au LORIA à Nancy.
2. Réunion de l'AS « Indexation et Motifs » du département STIC du CNRS, les 20 et 21 novembre 2003 à Montpellier.
3. Réunion commune de l'AS « Indexation et Motifs » et du Groupe de Travail « Algorithmique des séquences » du GDR ALP du département STIC du CNRS, les 9 et 10 décembre 2004 à Lille.
4. Journées « Algorithmique, combinatoire du texte et applications à la bioinformatique », les 26, 27 et 28 septembre 2007 à l'université de Marne-la-Vallée (91 participants).
5. Journées « Algorithmique, combinatoire du texte et applications à la bioinformatique », les 25 et 26 janvier 2010 à Montpellier (70 participants).
6. Journées « Algorithmique, combinatoire du texte et applications à la bioinformatique », les 10 et 11 janvier 2011 à Rennes.

7 Encadrements de mémoires de DÉA et Master 2 Recherche

1. DÉA Informatique Fondamentale et Applications de l'Université de Marne-la-Vallée, Option traitement des génomes, année 1998–1999, Arnaud LEFEBVRE, « Compression de séquences génomiques, étude et comparaison de profils de compression », co-encadré avec Marie-France Sagot (Institut Pasteur).

2. DÉA Informatique Théorique et Applications de l'Université de Rouen, année 2001–2002, Guillaume DUHAMEL, « Élaboration d'un prototype de base de connaissances terminologiques bilingue en informatique », co-encadré avec Maryvonne Holzem (UMR 6065 DYALANG, Université de Rouen).
3. DÉA Informatique Théorique et Applications de l'Université de Rouen, année 2002–2003, Élise PRIEUR, « Utilisation des Vecteurs de Suffixes pour la détection des répétitions dans les séquences biologiques ».
4. DÉA Informatique Théorique et Applications de l'Université de Rouen, année 2002–2003, Céline MESLIN, « Détection efficace de répétitions en tandem dans les séquences génomiques », co-encadré avec Martine Léonard et Laurent Mouchard.
5. Master 2 Informatique Théorique et Applications de l'Université de Rouen, année 2004–2005, Samuel GRAU, « Extraction de motifs et vecteurs de bits ».
6. Master 2 Informatique Théorique et Applications de l'Université de Rouen, année 2004–2005, Liming XIE, « Énumération d'arbres des suffixes », co-encadré avec Éric Laugerotte.
7. Master 2 Informatique Théorique et Applications de l'Université de Rouen, année 2005–2006, Henri BOUHAMED, « Intégration d'une méthode d'analyse statistique dans une plateforme de détection de répétitions », co-encadré avec Joël Alexandre, Dominique Cellier et Arnaud Lefebvre.
8. Master 2 Informatique Théorique et Applications de l'Université de Rouen, année 2005–2006, Majdi DAMMAK, « Analyse détaillée de la construction de l'oracle des facteurs », co-encadré avec Arnaud Lefebvre.
9. Master 2 Informatique Théorique et Applications de l'Université de Rouen, année 2006–2007, Brahim BATOUCHE, « L'arbre des bi facteurs ».
10. Master 2 Informatique Théorique et Applications de l'Université de Rouen, année 2006–2007, Emmanuel BÉNARD, « Calculs de mots à partir de graphes, tables des suffixes et tables LCP ».
11. Master 2 Informatique Théorique et Applications de l'Université de Rouen, année 2006–2007, Tayeb MERABTI, « Distance Symbolique inter-Documents » co-encadré avec Stéfan J. Darmoni.
12. Master 2 Informatique Théorique et Applications de l'Université de Rouen, année 2006–2007, Zakaria MEZEBBECH, « Étude sur les bornes des nombres de répétitions ».
13. Master 2 Informatique Théorique et Applications de l'Université de Rouen, année 2006–2007, Elvis N'KOULOLO, « Recherche approchée de mots dans un texte avec k erreurs, extension à la recherche approchée avec k différences ».
14. Master 2 Informatique Théorique et Applications de l'Université de Rouen, année 2006–2007, Nicolas PHILIPPE, « Caractérisation et énumération des arbres compacts de suffixes » co-encadré avec Jean-Philippe Dubernard et Éric Laugerotte.
15. Master 2 Informatique Théorique et Applications de l'Université de Rouen, année 2006–2007, Siwar REKIK, « Modélisation de terminologies médicales » co-encadrée avec Stéfan J. Darmoni.
16. Master 2 Informatique Théorique et Applications de l'Université de Rouen, année 2007–2008, Sabah BOUGOUIZI, « Algorithmes de recherche d'un ensemble fini de mots » co-encadrée avec Arnaud Lefebvre.
17. Master 2 Informatique Théorique et Applications de l'Université de Rouen, année 2007–2008, Mohamad EL ABED, « Détecter des répétitions dans les navigations des utilisateurs de CISMéF » co-encadré avec Stéfan J. Darmoni et Alexandre Pauchet.
18. Master 2 Informatique Théorique et Applications de l'Université de Rouen, année 2007–2008, Ismail MANSOUR, « Désambiguïser les abréviations dans les ressources de CISMéF » co-encadré avec Stéfan J. Darmoni, Tayeb Merabti et Élise Prieur.
19. Master 2 Informatique Théorique et Applications de l'Université de Rouen, année 2007–2008, Bacem WALI,
20. Master 2 Informatique Théorique et Applications de l'Université de Rouen, année 2008–2009, Salem JARRAY, « Mesure de similitude entre documents et clustering ».
21. Master 2 Informatique Théorique et Applications de l'Université de Rouen, année 2008–2009, Youghourta SARADOUNI, « Visualisation des répétitions dans les séquences biologiques à l'aide d'une distance entre les feuilles de l'arbre des suffixes ».

8 Directions de thèses

1. Arnaud LEFEBVRE, « Une nouvelle heuristique pour la détection de répétitions sur des génomes complets, pour la comparaison de génomes et pour la compression » soutenue le 9 juillet 2003 à l'université de Rouen.
2. Élise PRIEUR, « Méthodes et structures de données pour l'indexation et la détection de répétitions dans les séquences biologiques : les vecteurs de suffixes » soutenue le 14 décembre 2007 à l'université de Rouen.
3. Tayeb MERABTI, « Interopérabilité sémantique inter et intra terminologies » en co-encadrement avec S.J. Darmoni (Rouen) et M. Joubert (Marseille), soutenue le 24 juin 2010 à l'université de Rouen.
4. Tarek EL FALAH, « Algorithmes de recherche de motifs dans une famille de chaînes de caractères codant des macromolécules biologiques » co-tutelle en préparation avec M. Elloumi de l'université de Tunis El Manar (Tunisie).
5. Heni BOUHAMED, « Approches de détection des scores locaux dans les séquences et étude d'associations » co-tutelle en préparation avec M. Rebai de l'université de Sfax (Tunisie).

9 Participations à des jurys de thèse

1. Guillaume LUCE, « Algorithmique systolique pour le problème du plus long sous-mot commun et implémentation sur un réseau de transputers », Université de Picardie Jules Verne, Amiens, 12 juin 1997, examinateur.
2. Sabine MERCIER, « Statistiques des scores pour l'analyse et la comparaison de séquences biologiques », Université de Rouen, 16 décembre 1999, examinateur.
3. James F. REID, « String algorithms for decomposing partially occluded images », King's College London, 7 septembre 2001, rapporteur.
4. Zdeněk TRONÍČEK, « Searching subsequences », Université Technique Tchèque à Prague, République Tchèque, 14 décembre 2001, rapporteur.
5. Vincent LE MAOUT, « Expérience de programmation générique des structures non-séquentielles : les automates », Université de Marne-la-Vallée, 1^{er} juillet 2003, rapporteur.
6. Thierry GARCIA, « Algorithmique parallèle du texte : du modèle systolique au modèle CGM », Université de Picardie Jules Verne, Amiens, 27 novembre 2003, rapporteur.
7. Manolis CHRISTODOULAKIS, « Regularities on Fixed and Weighted Sequences », King's College London, 14 octobre 2005, rapporteur.
8. Nouri BEN ZAKOUR, « Analyse de la variabilité génomique chez les bactéries : Développement d'outils bio-informatiques et application à l'étude de la variabilité chez *Staphylococcus aureus* en fonction de l'hôte d'origine », École Nationale Supérieure Agronomique de Rennes, 23 février 2006, rapporteur.
9. Pierre PETERLONGO, « Filtrage de séquences d'ADN pour la recherche de longues répétitions multiples », Université de Marne-la-Vallée, 21 septembre 2006, examinateur.
10. Alban MANCHERON, « Extraction de motifs communs dans un ensemble de séquences : application à l'identification de sites de liaison aux protéines dans les séquences primaires d'ADN », Université de Nantes, 29 septembre 2006, rapporteur.
11. Matthieu DEFRANCE, « Algorithmes pour l'analyse de régions régulatrices dans le génome d'eucaryotes supérieurs », Université Scientifique et Technique de Lille, 13 décembre 2006, examinateur.
12. Céline MESLIN, « Utilisation de la table des suffixes pour la détection des répétitions », Université de Rouen, 19 janvier 2007, examinateur.
13. Moulay Tayeb BELGHITI, « Modélisation et techniques d'optimisation en bio-informatique et fouille de données », INSA de Rouen, 1^{er} février 2008, examinateur.
14. Janvier NZEUTCHAP, « Correspondances de Schensted–Fomin Algèbres de Hopf et graphes gradués en dualité », Université de Rouen, 30 juin 2008, examinateur.
15. Suzanne BENTO PERREIRA, « Indexation multi-terminologique de concepts en santé », Université de Rouen, 2 décembre 2008, examinateur, président.

16. Pavlos ANTONIOU, « Repetitive Structures in Biological Sequences and Applications in High Throughput Technologies », King's College London, 4 février 2009, rapporteur.
17. Jérôme LEBOSSE, « Identification par empreinte audio », Université de Caen, 7 mai 2009, examinateur.
18. Frédéric TANTINI, « Inférence grammaticale en situations bruitées », Université de Saint-Étienne, 9 juin 2009, rapporteur.
19. Sébastien REBECCHI, « Formalisme statistique pour ensembles de structures discrètes », INSA Lyon, 23 septembre 2009, rapporteur.
20. Sébastien ANGIBAUD, « Comparaisons de génomes avec gènes dupliqués : étude théorique et algorithmes », Université de Nantes, 7 octobre 2009, rapporteur, président.
21. Mounir KECHID, « La programmation dynamique polyadique non-serial dans les modèles de calcul parallèle BSP/CGM », Université de Picardie Jules Verne, Amiens, 19 novembre 2009, rapporteur.
22. Mikaël SALSON, « Structures d'indexation compressées et dynamiques pour le texte », Université de Rouen, 8 décembre 2009, examinateur.
23. Ahmed AHMED, « Identification et analyse des signaux de codes circulaires dans les gènes par des méthodes bioinformatiques », Université de Strasbourg, 7 janvier 2010, rapporteur.
24. Jan ANTOŠ, « Automaton-based backward pattern matching », Université Technique Tchèque à Prague, République Tchèque, 2 septembre 2010, rapporteur.
25. Michel CHILOWICZ, « Recherche de similarité dans du code source », Université de Marne-la-Vallée Paris-Est, 25 novembre 2010, rapporteur, président.
26. Guillaume RICZ, « NGS sur carte graphique », Université de Rennes, 12 janvier 2011, rapporteur.

10 Participations à des jurys d'habilitation à diriger des recherches

1. Frédéric GUINAND, « Informatique distribuée, incertitudes, et informatiques du vivant », Université du Havre, 17 décembre 2004, examinateur.
2. Éric RIVALS, « Algorithmique d'analyse de séquences en bioinformatique, Périodicité et répétitions », Université de Montpellier 2, 16 décembre 2005, rapporteur.
3. Jean-Stéphane VARRÉ, « Algorithmes pour la comparaison de génomes et la recherche de signaux cis-régulateurs », Université des Sciences et Technologies de Lille, 4 décembre 2008, rapporteur.
4. Dominique DUTOIT, « Intégration structurale des points de vue componentiels et compositionnels : pourquoi et comment », Université de Rouen, soutenance prévue le 16 juin 2009, examinateur.

11 Participations à des comités de thèse

1. Nicolas PHILIPPE, « Transcriptome, méthodes digitales et séquenceurs à haut-débit : une multitude de données à analyser », après un an de thèse, Université de Montpellier 2, 18 septembre 2008.
2. Nicolas PHILIPPE, « Transcriptome, génome et séquenceurs à haut-débit », après deux ans de thèse, Université de Montpellier 2, 22 septembre 2009.

12 Rapports

- Rédaction de rapports pour les journaux suivants : *ACM Computing Surveys*, *ACM Journal on Experimental Algorithmics*, *ACM Transactions on Algorithms*, *Bioinformatics*, *Discrete Applied Mathematics*, *European Journal of Operational Research*, *Fundamenta Informaticae*, *Holon Institute of Technology Journal for Science and Engineering* *IEEE/ACM Transactions on Computational Biology and Bioinformatics*, *Information Processing Letters*, *Information Sciences*, *Journal of the ACM*, *Journal of Automata, Languages and Combinatorics*, *Journal of Global Optimization*, *Journal of Parallel and Distributed Computing*, *Kybernetika*, *Pattern Analysis and Applications*, *Software – Practice & Experience*, *Theoretical Computer Science* et *Traitement Automatique des Langues* et pour les conférences suivantes : AWOCA 1999–2006, COCOON 2000, CPM 2001, 2003, 2005, 2006, 2009, DLT 2001, FAW 2009, ICALP 2001, 2003, 2006, ISAAC 2001, IWOCA 2008,

2009, JM 2008, LATA 2007, 2008, MFCS 2002, PSC 2001–2006, 2008 PSCW 1999-2000, SPIRE 2004, STACS 2000, 2003, 2008, 2009, 2010, WABI 2003–2005, WADS 2003 et WORDS 2003.

13 Comité éditorial

- *Journal of Discrete Algorithms*, Elsevier.

14 Contrats

- Administrateur principal d'une bourse de l'OTAN « Collaborative Linkage Grant » PST.CLG.977017 sur un projet intitulé « String Algorithmics » (2000–2003) regroupant des équipes des universités d'Haifa (Israël), King's College London (Royaume Uni), Marne-la-Vallée, McMaster (Canada), Padoue (Italie) et Rouen ;
- Co-responsable de l'Action Spécifique 77 « Algorithmes et séquences » (2001–2002) du RTP 41 « Bioinformatique : de la séquence génomique à la fonction biologique » du chantier 10 « Bioinformation » du département STIC du CNRS regroupant des équipes des universités de Lille, Marne-la-Vallée, Montpellier, du LORIA à Nancy et de Rouen.

15 Enseignement

- Moniteur en Informatique à l'université d'Évry en 1990-91 et 1991-92 ;
 - Maître de Conférences au Département d'Informatique de l'université de Rouen du 1^{er} octobre 1992 au 31 août 2002 ;
 - Professeur au Département d'Informatique de l'université de Rouen depuis le 1^{er} septembre 2002.
- Enseignements effectués :
- Programmation et algorithmique en DEUG (1^{re} et 2^e années) :
 - Initiation à la programmation (rédaction d'un cours, voir <http://www-igm.univ-mlv.fr/~lecroq/info1.ps>) ;
 - Initiation à l'algorithmique ;
 - Types de Données Abstraites et récursivité ;
 - Initiation à la Programmation Orientée Objet (Delphi, Java).
 - Algorithmique en Licence de Mathématiques et 2^e année d'IUP :
 - Algorithmique sur les arbres ;
 - Algorithmique sur les graphes.
 - Base de Données en 1^{re} année d'IUP :
 - Modèle Entité-Association ;
 - Modèle relationnel ;
 - Normalisation.
 - Langages web en 3^e année de Licence :
 - XHTML ;
 - CSS ;
 - JavaScript ;
 - PHP.
 - Méthodes de développement en 3^e année de Licence :
 - UML.
 - Base de Données en Maîtrise d'Informatique :
 - Modèle relationnel.
 - Éléments d'Intelligence Artificielle en Maîtrise d'Informatique :
 - Systèmes Experts ;
 - Algorithme de recherche ;
 - Programmation Orientée Objet (Smalltalk).
 - Théorie des Langages en Licence d'Informatique et Maîtrise de Mathématiques :
 - Langages rationnels ;
 - Langages algébriques ;
 - Automates.

- Option MéSAGé (Méthodes Statistiques et Algorithmique pour le Génome) en Maîtrise d'Ingénierie Mathématique :
 - Recherche de motifs.
- Option Informatique Génomique et Statistiques en Master Biologie 1ère année
 - Programmation en Python ;
 - Alignement de deux séquences.
- Master ÉGOISt (Étude de Génomes : Outils Informatiques et Statistiques) :
 - Algorithmique ;
 - Combinatoire des mots ;
 - Programmation dynamique ;
 - Comparaison et alignement de séquences ;
 - Perl ;
 - Servlets Java.
- Option Combinatoire des Mots en DÉA d'Informatique de l'université de Rouen :
 - Algorithme de recherche de motifs ;
 - Algorithme d'alignements.
- Master d'Informatique Théorique et Applications à l'université de Rouen :
 - Partie « Génome » du cours de tronc commun « Parallélisme et Génome ».
 - Partie « Génome » de l'option « Traitement parallèle et séquentielle du génome ».
- DÉA d'Informatique Fondamentale et Applications à l'université de Marne-la-Vallée :
 - Recherche de motifs dans la filière « Traitements des génomes » ;
 - Traitement algorithmique de séquences moléculaires dans la filière « Traitements des génomes ».

16 Participation à des Commissions de Spécialistes

- Vice-Président Maître de Conférences de la Commission de Spécialistes de la 27^e section de l'université de Rouen de 1995 à 1997.
Membre suppléant Maître de Conférences de la même commission de 1998 à 2003 puis à nouveau membre titulaire Professeur de 2004 à 2008.
Président de cette commission d'avril 2007 à août 2008.
- Vice-Président Maître de Conférences de la Commission de Spécialistes jointe 27^e et 61^e sections de l'université de Rouen en 1996.
- Membre extérieur titulaire Maître de Conférences de la Commission de Spécialistes de la 27^e section de l'université de Marne-la-Vallée de 1995 à 2001.
Membre extérieur suppléant Professeur de la même commission de 2004 à 2008.
- Assesseur de la Commission de Spécialistes jointe 27^e et 64-65^e sections de l'université de Rouen en 1999 et premier Vice-Président de la même commission en 2004.
- Membre titulaire Professeur de la Commission de Spécialistes 61^e section de l'université de Rouen de 2004 à 2008.
- Vice-Président Professeur de la Commission de Spécialistes jointe 61^e et 27^e sections de l'université de Rouen en 2005.

17 Participation à des Comités de Sélection

- Président de deux comités de sélection pour un poste de professeur des universités section 27 et un poste de maître de conférences section 27 à l'université de Rouen en 2009.
- Membre d'un comité de sélection pour un poste de professeur des universités section 27 à l'université Paul Valéry Montpellier 3 en 2009.
- Membre d'un comité de sélection pour deux postes de maître de conférences section 27 à l'université de Lille I en 2009.
- Membre d'un comité de sélection pour trois postes de maître de conférences section 27 à l'université de Lille I en 2010.
- Membre d'un comité de sélection pour un poste de maître de conférences section 27 à l'université de Rouen en 2011.
- Membre d'un comité de sélection pour un postes de maître de conférences sections 26-64 à l'université de Rouen en 2011.

18 Administration

- Président de la Commission Consultative de Spécialistes de l'Établissement de l'université de Rouen, 27^e section depuis février 2009.
- Membre de la Commission Consultative de Spécialistes de l'Établissement de l'université de Rouen, 61^e section depuis janvier 2009.
- Responsable des rapports internes du Laboratoire d'Informatique de Rouen de janvier 1995 à décembre 1997.
- Co-responsable du séminaire du Laboratoire d'Informatique de Rouen d'octobre 1995 à décembre 1997.
- Maintenance d'une page WWW personnelle depuis 1995 : <http://monge.univ-mlv.fr/~lecroq>
- Maintenance d'une bibliographie sur le traitement du texte : <http://www-igm.univ-mlv.fr/~lecroq/tq.bib> intégrée à « The Collection of Computer Science Bibliographies » de Alf-Christian Achilles à : <http://liinwww.ira.uka.de/bibliography/Theory/tq.html>.
- Responsable Informatique du DESS puis du master ÉGOIS*t* (*Étude de Génomes : Outils Informatiques et Statistiques*) de l'université de Rouen.
- Responsable de l'opération de recherche « Combinatoire et Génomes » du LIFAR de janvier 1999 à novembre 2000 et de octobre 2001 à décembre 2003.
- Coordinateur d'un groupe de travail intitulé « Algorithmique des séquences » du GDR ALP du CNRS : <http://www-igm.univ-mlv.fr/~lecroq/gdr-alp.html> de 2002 à 2005.
- Coordinateur d'un groupe de travail intitulé « COmbinatoire des Mots Algorithmique du Texte et du GÉNOME COMATEGE » du GDR IM du CNRS : <http://comatege.labos.univ-rouen.fr> depuis septembre 2008.
- Membre du comité de pilotage du RTP 41 « Bioinformatique : de la séquence génomique à la fonction biologique » du chantier 10 « Bioinformation » du département STIC du CNRS.
- Membre du comité de pilotage du regroupement « STIC-HN » des laboratoires haut-normands d'informatique (ABISS, LIFAR, LIH et PSI) de mai 2004 à décembre 2005.
- Membre de l'assemblée constituante du LITIS (Laboratoire d'Informatique, du Traitement de l'Information et des Systèmes, nouveau nom du STIC-HN) de janvier 2006 à octobre 2006.
- Membre élu du conseil de laboratoire du LITIS (Laboratoire d'Informatique, du Traitement de l'Information et des Systèmes) depuis octobre 2006.
- Coordinateur de l'équipe « Traitement de l'Information en Biologie Santé » du LITIS depuis novembre 2007.

19 Divers

- Séjour de recherche d'une semaine en avril 1991 à l'université de Varsovie.
- Séjour de recherche de juin à décembre 1993 au Département d'Informatique de l'université de Columbia, New York.
- Séjour de recherche de trois jours en février 1999 à l'université de Liverpool.
- Séjour de recherche de deux semaines en août 1999 à Curtin university of Technology, Perth, Australie.
- Séjour de recherche d'une semaine en novembre 2000 à l'université de Varsovie.
- Cours de 10 heures : « Sequential Pattern Matching » à l'« International PhD School in Formal Languages and Applications » à Tarragone en Espagne en novembre 2006.
- Congé pour recherches d'octobre 2000 à septembre 2001.
- Bénéficiaire de la Prime d'Encadrement Doctoral et de Recherche de 2000 à 2008.
- Bénéficiaire de la Prime d'Excellence Scientifique depuis 2009.
- Participation au séminaire « Combinatorial and Algorithmic Aspects of Sequence Processing » à Dagstuhl, Allemagne, février 2011.
- Cours de 10 heures : « Sequential Pattern Matching » à l'« International Spring School in Formal Languages and Applications » à Tarragone en Espagne en avril 2011.